

Nierziekten

Erfelijke nierziekte (incl. niertumoren). NB: MUC1 VNTR Cytosine insertie doorgaans niet aantoonbaar.

527

NEF00v23.1

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

TMEM107	100.0	100.0
MYOCD	100.0	100.0
COX10	100.0	100.0
FLCN	100.0	100.0
B9D1	100.0	100.0
NEK8	100.0	100.0
LHX1	99.2	99.6
HNF1B	100.0	100.0
WNK4	100.0	100.0
G6PC	100.0	100.0
SLC4A1	100.0	100.0
WNT9B	96.0	100.0
ITGA3	100.0	100.0
DGKE	99.2	100.0
MKS1	100.0	100.0
ACE	100.0	100.0
STRADA	100.0	100.0
SCN4A	100.0	100.0
FAM20A	100.0	100.0
KCNJ16	100.0	100.0
SLC9A3R1	100.0	100.0
NUP85	100.0	100.0
ITGB4	99.2	100.0
ARHGDI1	100.0	100.0
GREB1L	100.0	100.0
KCTD1	97.2	99.8
TTR	100.0	100.0
MOCOS	100.0	100.0
MYO5B	100.0	100.0
TXNL4A	100.0	100.0
GNA11	100.0	100.0
C3	100.0	100.0
KANK2	100.0	100.0
PRKCSH	100.0	100.0
PLVAP	100.0	100.0
TSHZ3	100.0	100.0
SLC7A9	100.0	100.0
NPHS1	100.0	100.0
SPINT2	100.0	100.0
ACTN4	100.0	100.0
SARS2	100.0	100.0
ADCK4	100.0	100.0
B9D2	100.0	100.0
APOE	99.9	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

APOC2	100.0	100.0
SIX5	99.5	100.0
AP2S1	100.0	100.0
CCDC114	100.0	100.0
AVP	98.2	98.2
MKKS	100.0	100.0
JAG1	100.0	100.0
THBD	100.0	100.0
KIF3B	100.0	100.0
MAFB	100.0	100.0
IFT52	100.0	100.0
HNF4A	99.9	100.0
TP53RK	100.0	100.0
SALL4	99.7	100.0
CYP24A1	100.0	100.0
STX16	100.0	100.0
GNAS	99.9	100.0
LAMA5	98.8	100.0
NRIP1	100.0	100.0
ITSN1	99.8	100.0
CRKL	100.0	100.0
APOL1	100.0	100.0
MYH9	99.7	100.0
IFT27	100.0	100.0
CBY1	100.0	100.0
XPNPEP3	100.0	100.0
UPK3A	98.1	100.0
ATXN10	100.0	100.0
ARSA	100.0	100.0
KAL1	99.3	100.0
OFD1	99.1	100.0
PHEX	100.0	100.0
KDM6A	99.9	100.0
CLCN5	99.9	100.0
MAGED2	100.0	100.0
GLA	100.0	100.0
NXF5	99.9	99.6
TBC1D8B	100.0	100.0
COL4A5	99.7	100.0
C1GALT1C1	100.0	100.0
OCRL	98.6	100.0
GPC3	100.0	100.0
HPRT1	93.1	100.0
MAP7D3	94.9	99.8
ZIC3	100.0	100.0
FAM58A	84.1	97.9
AVPR2	100.0	100.0
LAGE3	96.8	99.9
CEP104	100.0	100.0
NPHP4	100.0	100.0

Genmaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

RERE	99.9	100.0
CLCNKA	99.8	100.0
CLCNKB	100.0	100.0
SDHB	100.0	100.0
ALPL	100.0	100.0
WNT4	91.3	98.5
CCDC28B	100.0	100.0
YRDC	87.3	97.2
ZMPSTE24	100.0	100.0
CLDN19	100.0	100.0
MMACHC	100.0	100.0
PRDX1	100.0	100.0
CPT2	99.7	100.0
BSND	100.0	100.0
KANK4	100.0	100.0
ALG6	98.9	100.0
LRIG2	100.0	100.0
NRAS	100.0	100.0
NGF	100.0	100.0
ATP1A1	100.0	100.0
NOTCH2	99.5	100.0
RBM8A	100.0	100.0
CHD1L	100.0	100.0
MUC1	96.2	96.2
LMNA	100.0	100.0
KIRREL	99.0	100.0
KCNJ10	100.0	100.0
APOA2	100.0	100.0
HSPA6	99.0	99.9
NOS1AP	99.8	100.0
PBX1	100.0	100.0
ADCY10	100.0	100.0
SLC19A2	100.0	100.0
NPHS2	97.1	100.0
CDC73	100.0	100.0
CFH	98.4	100.0
CFHR3	84.7	84.6
CFHR1	87.4	81.2
CFHR2	90.8	90.6
CFHR4	92.4	99.7
CFHR5	99.6	100.0
KIF14	97.7	100.0
DDX59	100.0	100.0
CACNA1S	100.0	100.0
LMOD1	100.0	100.0
REN	100.0	100.0
DSTYK	100.0	100.0
SLC41A1	100.0	100.0
CD46	100.0	100.0
CENPF	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

KCTD3	99.7	100.0
ADCK3	100.0	100.0
NUP133	99.6	100.0
AGT	100.0	100.0
EXOC8	100.0	100.0
TBCE	100.0	100.0
MTR	100.0	100.0
CHRM3	100.0	100.0
FH	100.0	100.0
SDCCAG8	100.0	100.0
SOX11	100.0	100.0
WDR35	99.0	100.0
ITSN2	97.9	100.0
IFT172	100.0	100.0
XDH	100.0	100.0
HAAO	100.0	100.0
DYNC2LI1	100.0	100.0
SLC3A1	100.0	100.0
SIX2	100.0	100.0
EPCAM	100.0	100.0
WDPCP	98.8	100.0
ATP6V1B1	100.0	100.0
ALMS1	99.9	100.0
TPRKB	92.7	100.0
ACTG2	100.0	100.0
FAHD2A	100.0	100.0
NPHP1	96.6	100.0
PAX8	100.0	100.0
KYNU	100.0	100.0
ZEB2	100.0	100.0
GALNT3	100.0	100.0
TTC21B	100.0	100.0
LRP2	100.0	100.0
BBS5	100.0	100.0
HOXD13	99.8	100.0
MTX2	100.0	100.0
TMEM237	100.0	100.0
BMPR2	100.0	100.0
FN1	100.0	100.0
SMARCAL1	100.0	100.0
BCS1L	100.0	100.0
CUL3	100.0	100.0
COL4A4	99.8	99.5
COL4A3	98.7	100.0
ARMC9	100.0	100.0
PDE6D	100.0	100.0
TRAF3IP1	99.9	100.0
AGXT	100.0	100.0
VHL	100.0	100.0
SCN11A	99.9	99.9

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

SLC6A20	100.0	100.0
LZTFL1	93.4	100.0
PTH1R	100.0	100.0
LAMB2	100.0	100.0
BAP1	100.0	100.0
CACNA1D	100.0	100.0
ADAMTS9	99.0	99.8
ROBO2	100.0	100.0
ROBO1	100.0	100.0
ARL13B	100.0	100.0
ARL6	100.0	100.0
IFT57	99.8	99.8
IQCB1	100.0	100.0
CASR	100.0	100.0
MYLK	100.0	100.0
SEC61A1	100.0	100.0
IFT122	100.0	100.0
NPHP3	98.4	100.0
DZIP1L	99.9	100.0
AGTR1	100.0	100.0
IFT80	99.2	100.0
SLC2A2	100.0	100.0
NAALADL2	100.0	100.0
CLCN2	100.0	100.0
EHHADH	100.0	100.0
DNAJB11	100.0	100.0
LPP	100.0	100.0
TP63	100.0	100.0
CLDN16	100.0	100.0
IL1RAP	100.0	100.0
TCTEX1D2	100.0	100.0
SLC26A1	100.0	100.0
EVC2	100.0	100.0
EVC	95.4	99.0
SLC2A9	99.8	100.0
CC2D2A	99.8	100.0
SLIT2	100.0	100.0
TBC1D1	100.0	100.0
WDR19	99.9	100.0
SLC4A4	100.0	100.0
SCARB2	100.0	100.0
FRAS1	100.0	100.0
COQ2	99.6	100.0
DMP1	100.0	100.0
PKD2	100.0	100.0
NPNT	98.1	100.0
CFI	97.5	100.0
EGF	100.0	100.0
BBS7	99.5	100.0
BBS12	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

INTU	100.0	100.0
SCLT1	95.7	100.0
NR3C2	100.0	100.0
FGA	99.9	100.0
NEK1	98.0	100.0
FAT1	100.0	100.0
SLC9A3	99.3	99.8
SLC6A19	99.0	100.0
MTRR	100.0	100.0
FAM134B	98.8	100.0
NIPBL	98.8	99.9
C5orf42	99.0	100.0
GDNF	99.9	100.0
LIFR	96.3	100.0
RICTOR	98.4	100.0
ISL1	100.0	100.0
ERCC8	100.0	100.0
CEP120	100.0	100.0
TXNDC15	100.0	100.0
KLHL3	100.0	100.0
NR3C1	100.0	100.0
SYNPO	100.0	100.0
SLC36A2	100.0	100.0
SLIT3	99.6	100.0
FOXI1	100.0	100.0
SLC34A1	100.0	100.0
FOXC1	97.9	98.9
TFAP2A	100.0	100.0
GCM2	100.0	100.0
E2F3	97.7	99.7
DCDC2	99.8	100.0
NEU1	100.0	100.0
CFB	100.0	100.0
TNXB	95.8	94.9
UQCC2	100.0	100.0
DAAM2	100.0	100.0
XPO5	100.0	100.0
CD2AP	100.0	100.0
PKHD1	100.0	100.0
ICK	100.0	100.0
DST	100.0	100.0
TBX18	99.9	100.0
RRAGD	98.5	100.0
FBXL4	100.0	100.0
PDSS2	99.7	100.0
SEC63	100.0	100.0
ENPP1	92.4	98.2
AHI1	100.0	100.0
RMND1	97.7	100.0
FAM20C	99.4	99.8

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

SKAP2	98.0	100.0
HOXA10	100.0	100.0
HOXA13	88.8	90.2
EVX1	99.3	100.0
BBS9	99.5	100.0
ANLN	99.8	100.0
GLI3	100.0	100.0
MAGI2	95.7	95.6
CYP3A4	100.0	100.0
SLC26A3	100.0	100.0
DOCK4	99.9	100.0
MET	100.0	100.0
CEP41	100.0	100.0
PODXL	99.8	93.3
NUP205	100.0	100.0
ATP6V0A4	100.0	100.0
AGK	100.0	100.0
NCAPG2	99.6	100.0
WDR60	99.6	100.0
DLC1	99.9	100.0
FGF20	99.8	100.0
PCM1	99.8	100.0
FGFR1	100.0	100.0
SOX17	100.0	100.0
CHD7	99.9	100.0
CSPP1	98.3	100.0
EYA1	100.0	100.0
CA2	100.0	100.0
TMEM67	99.6	100.0
C8orf37	100.0	100.0
GDF6	100.0	100.0
RRM2B	100.0	100.0
CYP11B1	100.0	100.0
CYP11B2	100.0	100.0
DGAT1	93.0	100.0
CBWD1	87.0	78.1
KANK1	100.0	100.0
GLIS3	100.0	100.0
FREM1	100.0	100.0
BNC2	100.0	100.0
IFT74	95.7	100.0
GALT	100.0	100.0
GRHPR	100.0	100.0
TRPM6	99.4	100.0
CDK20	100.0	100.0
ROR2	100.0	100.0
SPTLC1	100.0	100.0
ANKS6	96.7	98.1
SEC61B	100.0	99.9
INVS	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

ALDOB	100.0	100.0
IKBKAP	100.0	100.0
TRIM32	100.0	100.0
GSN	99.8	100.0
CRB2	100.0	100.0
GAPVD1	100.0	100.0
LMX1B	100.0	100.0
COQ4	98.9	100.0
WDR34	99.7	100.0
PRDM12	91.1	92.5
TSC1	100.0	100.0
ADAMTS13	97.1	99.8
INPP5E	100.0	100.0
SLC34A3	99.1	99.8
TUBB4B	100.0	99.9
GATA3	100.0	100.0
ITGA8	100.0	100.0
CUBN	100.0	100.0
PDSS1	95.2	95.9
RET	99.9	100.0
TMEM72	100.0	100.0
ERCC6	100.0	100.0
ZNF365	100.0	100.0
NEUROG3	100.0	100.0
SGPL1	100.0	100.0
PCBD1	98.0	100.0
PSAP	100.0	97.9
FAM149B1	100.0	100.0
DLG5	98.5	100.0
PTEN	100.0	100.0
ACTA2	100.0	100.0
SLC16A12	100.0	100.0
CEP55	99.9	100.0
PLCE1	100.0	100.0
TCTN3	100.0	100.0
HOGA1	100.0	100.0
HPSE2	100.0	100.0
PAX2	100.0	100.0
FGF8	96.9	99.3
SUFU	100.0	100.0
TRIM8	100.0	100.0
ARL3	91.9	100.0
CYP17A1	100.0	100.0
CNNM2	100.0	100.0
BBIP1	100.0	100.0
GFRA1	100.0	100.0
HRAS	100.0	100.0
CD151	100.0	100.0
CDKN1C	82.6	86.4
CYP2R1	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

WT1	99.9	100.0
LRP4	100.0	100.0
NUP160	100.0	100.0
FAM111A	100.0	100.0
TMEM138	100.0	100.0
TMEM216	100.0	100.0
GANAB	100.0	100.0
SLC22A12	99.9	100.0
PYGM	100.0	100.0
BBS1	100.0	100.0
LRP5	97.8	99.5
DHCR7	100.0	100.0
NADSYN1	100.0	100.0
C2CD3	100.0	100.0
ALG8	96.4	100.0
TRPC6	96.5	100.0
DYNC2H1	98.1	100.0
ALG9	99.7	100.0
APOA1	100.0	100.0
CEP164	100.0	100.0
FXVD2	100.0	100.0
SLC37A4	100.0	100.0
TMEM218	100.0	100.0
HYLS1	100.0	100.0
KCNJ1	100.0	100.0
KCNJ5	100.0	100.0
WNK1	100.0	100.0
TULP3	100.0	100.0
FGF23	100.0	100.0
SCNN1A	100.0	100.0
GUCY2C	99.9	100.0
WBP11	100.0	100.0
PTPRO	99.5	100.0
KRAS	100.0	100.0
VDR	100.0	100.0
KMT2D	100.0	100.0
AQP2	100.0	100.0
TENC1	100.0	100.0
CYP27B1	100.0	100.0
AVIL	100.0	100.0
SRGAP1	100.0	100.0
GRIP1	100.0	100.0
NUP107	99.9	100.0
LYZ	100.0	100.0
BBS10	100.0	100.0
CEP290	84.8	100.0
POC1B	99.1	100.0
CEP83	89.7	100.0
IFT81	99.3	100.0
TCTN1	97.3	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

HNF1A	100.0	100.0
KDM2B	100.0	100.0
TCTN2	100.0	100.0
ZMYM2	100.0	100.0
KL	97.6	98.4
ALG5	100.0	100.0
FREM2	100.0	100.0
ATP7B	100.0	100.0
PIBF1	98.7	100.0
GPC5	100.0	100.0
CLDN10	100.0	100.0
OXGR1	100.0	100.0
COL4A1	99.6	100.0
OSGEP	100.0	100.0
RPGRIP1	100.0	100.0
SLC7A7	100.0	100.0
LRP10	100.0	100.0
FAM179B	99.8	100.0
BMP4	100.0	100.0
TMEM260	100.0	100.0
KIAA0586	99.8	95.4
DACT1	99.2	100.0
SIX1	100.0	100.0
COQ6	100.0	100.0
IFT43	100.0	100.0
VIPAS39	100.0	100.0
SPTLC2	100.0	100.0
TTC8	96.0	100.0
C14orf142	100.0	100.0
DICER1	100.0	100.0
AMN	100.0	100.0
INF2	96.5	97.7
MYH11	100.0	100.0
FAN1	100.0	100.0
GREM1	100.0	100.0
MAPKBP1	100.0	100.0
B2M	100.0	100.0
GATM	100.0	100.0
SLC12A1	100.0	100.0
TRPM7	98.0	100.0
WDR72	100.0	100.0
MYO1E	100.0	100.0
BBS4	100.0	100.0
STRA6	100.0	100.0
CHRNA3	97.7	100.0
FAH	100.0	100.0
WDR73	100.0	100.0
KIF7	97.3	99.8
VPS33B	100.0	100.0
CACNA1H	98.9	99.8

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
IFT140	100.0	100.0
TSC2	100.0	100.0
PKD1	96.9	96.1
TRAP1	99.8	100.0
GLIS2	100.0	100.0
ANKS3	99.5	100.0
ALG1	99.5	99.9
PMM2	100.0	100.0
EMP2	100.0	100.0
COQ7	100.0	100.0
UMOD	100.0	100.0
SCNN1G	100.0	100.0
SCNN1B	100.0	100.0
KIAA0556	100.0	100.0
TBX6	100.0	100.0
SLC5A2	100.0	100.0
ZNF423	100.0	100.0
SALL1	100.0	100.0
RPGRIP1L	96.9	96.4
BBS2	100.0	100.0
NUP93	100.0	100.0
SLC12A3	99.9	100.0
COQ9	100.0	100.0
HSD11B2	88.7	98.3
LCAT	100.0	100.0
TMEM231	100.0	100.0
FOXF1	100.0	100.0
FOXC2	100.0	100.0
CTU2	96.9	99.9
APRT	100.0	100.0
CTNS	99.1	100.0
ANKFY1	100.0	100.0
KIAA0753	100.0	100.0