

# Neuromusculaire ziekten

Spieraandoeningen

215

NMZ02v24.1

<b>Gennaam</b>	<b>CreV4 (15X)</b>	<b>SSv7 (15X)</b>
AGRN	99.8	99.9
PAX7	99.5	100.0
HSPG2	99.4	99.4
SEPN1	90.2	86.7
POMGNT1	100.0	100.0
CPT2	99.7	100.0
PGM1	100.0	100.0
DNAJB4	100.0	100.0
ALG14	100.0	100.0
AGL	99.9	100.0
LRIF1	100.0	100.0
TPM3	100.0	100.0
FLAD1	100.0	100.0
DPM3	100.0	100.0
MSTO1	97.5	99.3
LMNA	100.0	100.0
CASQ1	100.0	100.0
TOR1AIP1	99.8	100.0
CACNA1S	100.0	100.0
SYT2	100.0	100.0
ACTA1	100.0	99.7
B3GALNT2	100.0	100.0
ACTN2	100.0	100.0
LPIN1	100.0	100.0
HADHA	100.0	100.0
HADHB	95.7	100.0
PREPL	100.0	100.0
GFPT1	100.0	100.0
TIA1	100.0	100.0
DYSF	99.9	100.0
DGUOK	100.0	100.0
SLC5A7	100.0	100.0
BIN1	97.0	100.0
NEB	89.9	88.6
ACVR1	100.0	100.0
KLHL41	100.0	100.0
ZAK	100.0	100.0
CHRNA1	100.0	100.0
TTN	99.8	99.9
MSTN	100.0	100.0
DES	100.0	100.0
SPEG	99.9	100.0
ECEL1	100.0	100.0
CHRND	100.0	100.0

**Genmaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)**

COL6A3	100.0	100.0
CAV3	100.0	100.0
TMEM43	100.0	100.0
COLQ	100.0	100.0
KLHL40	100.0	100.0
POMGNT2	100.0	100.0
DAG1	100.0	100.0
GMPPB	100.0	100.0
LMOD3	99.4	100.0
GBE1	100.0	100.0
POGLUT1	100.0	100.0
ACAD9	100.0	100.0
KY	100.0	100.0
GYG1	100.0	100.0
FXR1	100.0	100.0
OPA1	99.1	100.0
DOK7	94.0	98.6
SGCB	94.5	99.9
HNRNPDL	100.0	100.0
ETFDH	100.0	100.0
TRAPPC11	99.3	100.0
SLC25A4	100.0	100.0
MEGF10	100.0	100.0
SLC22A5	100.0	100.0
MYOT	99.8	100.0
SIL1	100.0	100.0
SGCD	100.0	100.0
SQSTM1	100.0	100.0
COL12A1	99.7	100.0
BVES	100.0	100.0
POPDC3	100.0	100.0
LAMA2	100.0	99.6
SYNE1	100.0	100.0
ISPD	100.0	100.0
HNRNPA2B1	100.0	100.0
FKBP14	100.0	100.0
PGAM2	100.0	100.0
FLNC	100.0	100.0
TNPO3	100.0	100.0
CLCN1	100.0	100.0
DNAJB6	100.0	100.0
POMK	100.0	100.0
RRM2B	100.0	100.0
PLEC	100.0	100.0
SLC52A2	100.0	100.0
KLHL9	100.0	100.0
VCP	100.0	100.0
TPM2	100.0	100.0
GNE	100.0	100.0
BICD2	100.0	100.0

**Gemaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)**

ALG2	100.0	100.0
FKTN	100.0	100.0
MUSK	100.0	100.0
TRIM32	100.0	100.0
DPM2	100.0	100.0
GOLGA2	100.0	100.0
SPTAN1	100.0	100.0
POMT1	100.0	100.0
TMEM8C	100.0	100.0
PTPLA	96.5	100.0
SLC18A3	100.0	100.0
CHAT	99.0	100.0
MYPN	100.0	100.0
DNA2	100.0	100.0
COL13A1	100.0	98.7
MICU1	100.0	100.0
LDB3	99.8	100.0
C10orf2	100.0	100.0
BAG3	100.0	100.0
PNPLA2	100.0	100.0
TNNI2	99.4	100.0
STIM1	100.0	100.0
LDHA	100.0	100.0
ANO5	99.6	100.0
RAPSN	100.0	100.0
FAM111B	100.0	100.0
PYGM	100.0	100.0
B3GNT1	100.0	100.0
IGHMBP2	100.0	100.0
TMEM126B	100.0	100.0
CRYAB	100.0	100.0
DPAGT1	100.0	100.0
VAMP1	99.2	100.0
PYROXD1	97.6	100.0
CNTN1	100.0	100.0
PFKM	100.0	100.0
HNRNPA1	100.0	100.0
ITGA7	100.0	100.0
ERBB3	100.0	100.0
STAC3	100.0	100.0
TMEM5	99.7	100.0
MYF6	100.0	100.0
ISCU	100.0	100.0
TRPV4	100.0	100.0
MYL2	100.0	100.0
HSPB8	100.0	100.0
ORAI1	98.7	100.0
PUS1	99.9	100.0
SGCG	100.0	100.0
EXOSC8	98.2	100.0

**Genmaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)**

SUCLA2	100.0	100.0
PABPN1	80.7	94.2
MYH7	100.0	100.0
CFL2	98.5	100.0
SYNE2	99.8	100.0
POMT2	100.0	100.0
VIPAS39	100.0	100.0
VRK1	100.0	100.0
DYNC1H1	100.0	100.0
ADSSL1	100.0	100.0
CAPN3	100.0	100.0
SORD	99.0	95.8
GATM	100.0	100.0
TRIP4	100.0	100.0
KBTBD13	100.0	100.0
MYO9A	100.0	100.0
SNUPN	100.0	100.0
ETFA	100.0	100.0
CLN3	99.2	100.0
ATP2A1	100.0	100.0
TK2	100.0	100.0
INPP5K	100.0	100.0
CHRNE	100.0	100.0
ENO3	100.0	100.0
ACADVL	100.0	100.0
CHRNA1	100.0	100.0
MYH2	100.0	100.0
MYH3	100.0	100.0
TTC19	100.0	100.0
TCAP	100.0	100.0
PTRF	100.0	100.0
GOSR2	100.0	100.0
SGCA	100.0	100.0
SCN4A	100.0	100.0
GAA	100.0	100.0
SMCHD1	98.0	100.0
PIP5K1C	94.7	99.8
DNM2	100.0	100.0
RYR1	99.8	99.8
SPTBN4	99.2	100.0
FKRP	100.0	100.0
GYS1	100.0	100.0
ETFB	100.0	100.0
TNNT1	100.0	100.0
RBCK1	100.0	100.0
SLC52A3	100.0	100.0
DNMT3B	99.9	100.0
DPM1	100.0	100.0
COL6A1	99.9	100.0
COL6A2	100.0	100.0

<b>Gemmaam</b>	<b>CreV4 (15X)</b>	<b>SSv7 (15X)</b>
SLC25A1	94.5	99.9
TANGO2	100.0	100.0
CHCHD10	95.7	100.0
MYO18B	100.0	100.0
LARGE	100.0	100.0
MB	100.0	100.0
CHKB	100.0	100.0
SMPX	100.0	100.0
DMD	99.3	100.0
XK	100.0	100.0
UBA1	100.0	100.0
ZC4H2	100.0	100.0
PHKA1	99.9	100.0
ATP7A	100.0	100.0
PGK1	100.0	100.0
LAMP2	100.0	100.0
FHL1	100.0	100.0
MTM1	100.0	100.0
VMA21	100.0	100.0
SRPK3	99.6	100.0
EMD	96.7	100.0