Epilepsie

Epilepsie volledig genpanel
344
EPI00v24.1

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
GNB1	100.0	100.0
GABRD	93.8	97.1
CHD5	97.8	99.9
MTOR	100.0	100.0
MTHFR	100.0	100.0
HNRNPR	100.0	100.0
DHDDS	100.0	100.0
ADPRHL2	100.0	99.9
PPT1	100.0	100.0
SLC2A1	100.0	100.0
SZT2	99.9	100.0
ST3GAL3	100.0	100.0
CPT2	99.7	100.0
PARS2	100.0	100.0
DOCK7	99.1	100.0
KCNA2	100.0	100.0
KCND3	100.0	100.0
ATP1A1	100.0	100.0
PHGDH	100.0	100.0
CHRNB2	100.0	100.0
ASH1L	100.0	100.0
KCNJ10	100.0	100.0
ATP1A2	100.0	100.0
PIGC	100.0	100.0
CACNA1E	100.0	100.0
KCNT2	97.2	100.0
KCNH1	100.0	100.0
KCTD3	99.7	100.0
ARV1	100.0	100.0
TBCE	100.0	100.0
HNRNPU	98.7	100.0
CAD	100.0	100.0
NRXN1	100.0	99.1
UGP2	100.0	100.0
SLC1A4	100.0	100.0
STAMBP	100.0	100.0
ST3GAL5	92.1	100.0
RANBP2	98.9	99.4
ZEB2	100.0	100.0
MBD5	100.0	100.0
KIF5C	99.4	100.0
NR4A2	100.0	100.0
SCN3A	100.0	100.0
SCN2A	99.7	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
SCN1A	100.0	100.0
GAD1	100.0	100.0
SLC25A12	100.0	100.0
HECW2	100.0	100.0
PGAP1	96.9	100.0
SLC19A3	100.0	100.0
KIF1A	100.0	100.0
D2HGDH	100.0	100.0
GRM7	100.0	100.0
SLC6A1	99.7	100.0
GLB1	100.0	100.0
TRAK1	100.0	100.0
TREX1	100.0	100.0
QARS	100.0	100.0
AMT	100.0	100.0
NPRL2	100.0	100.0
CACNA2D2	96.9	99.7
CACNA1D	100.0	100.0
ATP6V1A	99.9	100.0
UBA5	99.5	100.0
GABRB2	100.0	100.0
GABRA1	100.0	100.0
GABRG2	100.0	92.8
TUBB2A	100.0	100.0
TUBB2B	100.0	100.0
FARS2	100.0	100.0
PHACTR1	99.7	100.0
NHLRC1	100.0	100.0
TDP2	100.0	100.0
CSNK2B	100.0	100.0
NEU1	100.0	100.0
SYNGAP1	97.8	99.2
MOCS1	100.0	100.0
CNPY3	99.3	100.0
KCNQ5	99.3	100.0
HACE1	99.7	100.0
MICAL1	100.0	100.0
CDK19	99.9	100.0
NUS1	99.8	99.7
ARG1	100.0	100.0
EPM2A	85.1	89.7
ARID1B	98.6	99.3
BRAT1	100.0	100.0
PSPH	99.1	100.0
KCTD7	100.0	100.0
MDH2	99.9	100.0
YWHAG	100.0	100.0
ASNS	100.0	100.0
KPNA7	100.0	100.0
ACTL6B	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
RELN	100.0	100.0
CNTNAP2	100.0	100.0
CLN8	100.0	100.0
ASAH1	99.4	100.0
RHOBTB2	100.0	100.0
CHRNA2	100.0	100.0
PROSC	100.0	100.0
OTUD6B	99.9	100.0
INTS8	97.7	100.0
KCNQ3	99.6	100.0
GPAA1	100.0	100.0
SMARCA2	98.0	99.1
GLDC	100.0	100.0
PIGO	100.0	100.0
TRPM3	100.0	100.0
RORB	100.0	100.0
TRPM6	99.4	100.0
PSAT1	100.0	100.0
NTRK2	100.0	100.0
GABBR2	98.3	98.2
FRRS1L	86.1	99.9
STXBP1	100.0	100.0
DNM1	97.0	100.0
COQ4	98.9	100.0
SPTAN1	100.0	100.0
TSC1	100.0	100.0
KCNT1	99.0	99.9
GRIN1	100.0	100.0
EHMT1	98.8	99.0
CACNA1B	98.3	99.3
KCNMA1	99.9	100.0
ATAD1	99.3	100.0
LGI1	100.0	100.0
TRIM8	100.0	100.0
CNNM2	100.0	100.0
TCF7L2	99.2	100.0
DEAF1	93.8	98.6
SLC25A22	100.0	100.0
CTSD	100.0	100.0
TPP1	100.0	100.0
EIF3F	100.0	100.0
DENND5A	100.0	100.0
KCNC1	100.0	100.0
SLC1A2	100.0	100.0
PHF21A	99.7	100.0
RNASEH2C	100.0	100.0
PACS1	94.9	99.7
FOLR1	100.0	100.0
PAK1	100.0	100.0
GRIA4	99.9	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
KMT2A	99.6	99.6
KCNA1	100.0	100.0
C12orf57	100.0	100.0
GRIN2B	100.0	100.0
PPFIBP1	100.0	100.0
DNM1L	100.0	100.0
TUBA1A	100.0	100.0
SCN8A	100.0	100.0
KCNC2	100.0	100.0
ANO4	100.0	100.0
CUX2	98.7	100.0
SETD1B	97.4	97.9
NBEA	98.9	99.6
UFM1	64.2	100.0
RNASEH2B	100.0	100.0
CLN5	100.0	100.0
FOXG1	99.2	98.0
KCNH5	99.9	100.0
GPHN	100.0	100.0
PIGH	100.0	100.0
IRF2BPL	99.2	98.7
DYNC1H1	100.0	100.0
PACS2	97.7	99.3
NPAP1	99.9	100.0
UBE3A	100.0	100.0
GABRB3	100.0	100.0
GABRA5	100.0	100.0
GATM	100.0	100.0
DMXL2	99.9	100.0
GNB5	100.0	100.0
PIGB	95.6	100.0
RORA	100.0	100.0
CLN6	99.8	100.0
AP3B2	100.0	100.0
POLG	100.0	100.0
CHD2	99.8	100.0
NPRL3	100.0	100.0
PIGQ	100.0	100.0
TSC2	100.0	100.0
TBC1D24	100.0	100.0
ATP6V0C	100.0	100.0
ROGDI	99.5	100.0
ABAT	100.0	100.0
GRIN2A	100.0	100.0
NDE1	100.0	100.0
CLN3	99.2	100.0
PRRT2	100.0	100.0
SETD1A	99.1	99.9
STX1B	96.4	100.0
KAT8	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
SLC6A2	100.0	100.0
GNAO1	100.0	100.0
GOT2	99.4	100.0
AARS	100.0	100.0
WWOX	100.0	100.0
GCSH	99.4	81.6
ANKRD11	100.0	100.0
PAFAH1B1	94.7	100.0
SLC13A5	100.0	100.0
MPDU1	100.0	100.0
RAI1	100.0	100.0
PIGW	100.0	100.0
NEUROD2	100.0	100.0
TUBG1	100.0	100.0
GRN	100.0	100.0
KANSL1	100.0	100.0
GOSR2	100.0	100.0
PNPO	100.0	100.0
CACNA1G	99.9	100.0
CLTC	100.0	100.0
TANC2	100.0	100.0
STRADA	100.0	100.0
ASXL3	100.0	100.0
NEDD4L	98.0	100.0
PIGN	98.6	100.0
HCN2	77.1	78.8
GAMT	100.0	100.0
SEMA6B	99.3	100.0
DHPS	100.0	100.0
RNASEH2A	100.0	100.0
NACC1	100.0	100.0
CACNA1A	100.0	100.0
MAST3	98.4	99.9
CERS1	78.3	95.4
SCN1B	93.8	99.9
ATP1A3	100.0	100.0
GRIK5	100.0	100.0
CIC	100.0	100.0
KPTN	100.0	100.0
GRIN2D	81.0	96.5
PNKP	100.0	100.0
MBOAT7	100.0	100.0
ITPA	100.0	100.0
PLCB1	99.9	100.0
SNAP25	100.0	100.0
NAPB	100.0	100.0
PIGU	99.7	100.0
SAMHD1	100.0	100.0
PIGT	100.0	100.0
SLC12A5	99.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
KCNB1	100.0	100.0
DPM1	100.0	100.0
CHRNA4	96.4	100.0
KCNQ2	97.6	100.0
EEF1A2	97.5	99.6
DNAJC5	100.0	100.0
USP25	99.4	99.9
SCAF4	98.0	100.0
SYNJ1	97.7	100.0
SON	100.0	100.0
PIGP	100.0	100.0
DYRK1A	100.0	100.0
SIK1	100.0	99.9
CSTB	100.0	100.0
SLC25A1	94.5	99.9
CLDN5	100.0	100.0
TBX1	84.3	91.5
TANGO2	100.0	100.0
DEPDC5	100.0	100.0
ADSL	100.0	100.0
MLC1	100.0	100.0
SHANK3	90.2	95.9
CLCN4	100.0	100.0
OFD1	99.1	100.0
PIGA	100.0	100.0
CDKL5	98.6	100.0
RPS6KA3	98.9	99.8
CNKSR2	99.4	100.0
SMS	100.0	99.8
EIF2S3	100.0	100.0
ARX	88.0	93.1
ATP6AP2	100.0	100.0
DDX3X	99.9	100.0
CASK	98.3	100.0
SYN1	100.0	100.0
PQBP1	100.0	100.0
SLC35A2	99.6	100.0
WDR45	100.0	100.0
SYP	97.0	100.0
KDM5C	100.0	100.0
IQSEC2	98.9	99.6
SMC1A	100.0	100.0
HSD17B10	100.0	100.0
HUWE1	99.9	100.0
FGD1	99.8	100.0
ARHGEF9	100.0	100.0
OPHN1	100.0	100.0
MED12	99.9	100.0
KIAA2022	100.0	100.0
ATRX	98.8	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
PCDH19	100.0	100.0
HNRNPH2	100.0	100.0
PLP1	100.0	100.0
PAK3	99.8	100.0
DCX	99.9	100.0
ALG13	99.7	100.0
UBE2A	100.0	100.0
CUL4B	98.2	100.0
GRIA3	99.9	100.0
ZDHHC9	100.0	100.0
GPC3	100.0	100.0
PHF6	97.6	100.0
SLC9A6	99.9	100.0
FGF13	99.9	100.0
GABRA3	99.9	100.0
NSDHL	100.0	100.0
SLC6A8	98.9	97.6
HCFC1	100.0	100.0
MECP2	99.9	100.0
FLNA	99.6	100.0
RAB39B	100.0	100.0
SERPINI1	100.0	100.0
AP2M1	100.0	100.0
FGF12	100.0	100.0
PIGG	100.0	100.0
CPLX1	94.6	99.9
LIAS	96.3	100.0
UGDH	100.0	100.0
GABRA2	100.0	100.0
GABRB1	100.0	100.0
SCARB2	100.0	100.0
COQ2	99.6	100.0
PPP3CA	100.0	100.0
TBCK	96.0	100.0
SPATA5	100.0	100.0
MFSD8	100.0	100.0
GLRB	94.5	100.0
GRIA2	99.7	100.0
TRIO	99.0	99.2
SLC1A3	100.0	100.0
HCN1	100.0	100.0
MOCS2	100.0	100.0
MEF2C	100.0	100.0
ALDH7A1	100.0	100.0
PPP2CA	100.0	100.0
PURA	100.0	100.0
DIAPH1	99.7	99.0
GLRA1	100.0	100.0
GEMIN5	100.0	100.0
CYFIP2	100.0	100.0